



令和7年度 リカレント教育講座

オンライン開催
(ZOOMを使用)

生物統計とデータ解析

一部アーカイブ配信あり

“実践的な生物統計解析の手法”を学ぶ！

近年の遺伝子の読み取り技術の飛躍的な進展は、医学、健康科学、食品生産、環境科学など様々な分野で、大きな発展をもたらしています。これらの膨大な遺伝子データを解析するためには、複雑な統計学的手法の理解が必須です。本講座では、遺伝情報に関わる実践的な統計学、およびその解析法を理解し、データリテラシーの向上を目指します。

| 対象 | 日程 | |
|------|----------------------------|-----------------|
| 一般の方 | 2025年1月6日(月)～1月27日(火) 全15回 | 大学院生向け講義と同一授業です |

講義日程

次世代シーケンサーデータの統計処理の基礎

講師 半田 佳宏 群馬大学客員教授 株式会社生物技研 取締役

| | | | |
|----------|-------------|-----|----------------------|
| 1月 6日(火) | 12:40～14:10 | 第1回 | 次世代シーケンサーとその技術 |
| | 14:20～15:50 | 第2回 | アンプリコン解析 |
| | 16:00～17:30 | 第3回 | ゲノム解析とメタゲノム解析 |
| 1月13日(火) | 12:40～14:10 | 第4回 | リシーケンシングとエピジェネティクス解析 |
| | 14:20～15:50 | 第5回 | ジエノタイピング解析 |
| | 16:00～17:30 | 第6回 | RNAseq解析 |
| 1月19日(月) | 12:40～14:10 | 第7回 | ISO-seq解析と生物情報学の学び方 |

具体的な解析手法の実例

講師 石井 俊一 群馬大学客員教授 国立研究開発法人海洋研究開発機構 主任研究員

| | | | |
|----------|-------------|------|-----------------------|
| 1月20日(火) | 12:40～14:10 | 第8回 | 環境微生物と情報学 |
| | 14:20～15:50 | 第9回 | メタゲノムによる微生物群集構造解析 |
| | 16:00～17:30 | 第10回 | メタゲノムからの培養を介さないゲノム抽出法 |
| 1月26日(月) | 12:40～14:10 | 第11回 | MAGを用いた機能解析 |
| | 14:20～15:50 | 第12回 | 電気微生物と情報学 |
| | 16:00～17:30 | 第13回 | 刺激応答型メタトランскriptーム解析 |
| 1月27日(火) | 12:40～14:10 | 第14回 | 比較ゲノミクス |
| | 14:20～15:50 | 第15回 | マルチメタオミックスの最新の動向 |

申込締切：12月25日(木)15時まで

受講料：9,000円

受講申し込みはこちら⇒

※ 電子メールでご連絡いたします

URL：<https://forms.gle/SMwijuPYiLaQeh456>



お問い合わせ

〒371-8510

群馬県前橋市荒牧町4-2

国立大学法人群馬大学

研究推進部産学連携推進課 荒牧センター事務室

☎：027-220-7449

✉：shokukenkou-c@ml.gunma-u.ac.jp

